

OY 241 ATGATATTCGTGATGATGAGACACTGTCACAGCTTTTGACACAGCCATTTGAT 300
 DB 244 AATGAAATCGCTGGAGAGGTACAACTACAGACAGTTTACACAAATCATATTCAG 303
 OY 301 GAAGACATAAAAATGTCACAGAGCTGCAATATGATATCCGTGAGCATTTGAA 360
 DB 304 GAAGCTTTAAGAAATGTTACAAAGTGGGCAATCTGTAGCTTAAAGAACGATTGAC 363
 OY 361 AAGACACACACACAGCTGTGAAAGCCTTGAAGCACTGCTCAACCTGTATCGCAG 420
 DB 364 AAGACATGCAAGTGGCTTTAGAGCGCTTCAATGAGATTTCTAAAGAGTTAAAG 423
 OY 421 GAAGCTATTCGTGATGATGAGTATCATACAGCTTGAAGAAAGTGAAGATATAC 480
 DB 424 AAGCATATGCAAGTGGCTTTAGAGCTTATTCAGACAGATTAAGAAATGCTGCTCAT 483
 OY 481 TCAGAGCTATGAGCGGTGGGCAAGATGCTGTATTCATCATGCAAGATTCAGAGT 540
 DB 484 TCTGAAGCAATGATTAAGTAGTAAAGATGCGCTTATCATATTAAGATCAATGGG 543
 OY 541 ATGAAACAGAACTTAAGTGTGAAGCATGCAATTTGACCGGTGTACTGTCTCA 600
 DB 544 TTTATATCAGAAATTAAGTAGTTGAAGGATGCAATTTGATCGGCTTACATCAACCA 603
 OY 601 TACATGTCACACAAATGATGAAATGTTGACAGCTGTAAGAAACCTTATCTAATC 660
 DB 604 TATATGGTAACTGACTACGATTAATGATGATGATTAAGACCTCATATATATAGTA 663
 OY 661 ACGGATTAAGAGTCAAAATCCAAAGCATTTTCCACTACTGTGAGGAAGTTTAA 720
 DB 664 ACGGATTAAGAAATTTCTATCTCAAGATATCTTCAATTAATGAAGCAAGTTGCGAG 723
 OY 721 ACCAAGCTGCAATTCATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 780
 DB 724 GCTAGTGCACAAATTTAATGTTGGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 783
 OY 781 GCTTGAAGAAATTCGATCTTCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 840
 DB 784 GATTTAAACCGTATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 843
 OY 841 GATGCTGTAAGCTATGTAAGACATGCTATCTTGAAGAGTGTGATGATGATGATGAT 900
 DB 844 GATGAGCTGAAGCAATGTTGAAGACCTAGCAATTAATGATGATGATGATGATGAT 903
 OY 901 GAGATCTAGACATGATTAAGATGCTACATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 960
 DB 904 GATGATTTAGCTTAAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 963
 OY 961 ATTAGCTGATTAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1020
 DB 964 GTGAATGCTTAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1023
 OY 1021 GCTAACGATGCTGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1080
 DB 1024 GATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1083
 OY 1081 GAAAACTACAGAAAGCTTTGGGAAATTAAGCTGATGATGATGATGATGATGATGAT 1140
 DB 1084 GAAAAATTAACGAAAGTTGGGAAATTAAGCTGATGATGATGATGATGATGATGAT 1143
 OY 1141 GCTCAACAGAGACGCTTTAAAGAAATGAAATTCGATGATGATGATGATGATGATGAT 1200
 DB 1144 GGTGCGAGAGAAAGCTTAAGAAAGCTTAAGAAATGAAATGAAATGAAATGAAATGAA 1203
 OY 1201 ACAGCTGACAGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1260
 DB 1204 ACAGTGGCGGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1263
 OY 1261 ATGAAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1320
 DB 1264 TATCAAAAGTAAAGTAAATTAAGCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1323

OY 1321 CTTCGCTCTTGAAGAGCCTGTAGCTTAATGCTTTAATGCTGGTACG 1443
 DB 1324 TTAAGCATTAAGACACCTGTAGACAAATTCGTAAGATGACAGATGATG 1443
 OY 1381 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1443
 DB 1384 ATATATGTTGAACCTTTAAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1443
 OY 1441 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1500
 DB 1444 GAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1503
 OY 1501 CTTCAAATGACCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1560
 DB 1504 TTAACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1563
 OY 1561 AAACCTGAAGCAG 1573
 DB 1564 ATTCAGAGCCAG 1576

RESULT 3
 US-09-472-971-5
 / Sequence 5: Application US/09472971
 / Patent No. 6197547
 / GENERAL INFORMATION:
 / APPLICANT: SOGO, Kazuo
 / APPLICANT: YANAGI, Hideki
 / APPLICANT: YURA, Takashi
 / TITLE OF INVENTION: TRIGGER FACTOR EXPRESSION PLASMIDS
 / FILE REFERENCE: 1422-409P
 / CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/472,971
 / EARLIER FILING DATE: 1999-12-28
 / EARLIER APPLICATION NUMBER: JP10-372965
 / NUMBER OF SEQ ID NOS: 7
 / SOFTWARE: Patent In Ver. 2.1
 / SEQ ID NO 5
 / LENGTH: 1647
 / TYPE: DNA
 / ORGANISM: Escherichia coli
 US-09-472-971-5

Query Match 36.0%; Score 589.8; DB 4; Length 1647;
 Best Local Similarity 61.3%; Pred. No. 3.3e-164;
 Matches 986; Conservative 0; Mismatches 617; Indels 6; Gaps 2;
 OY 4 GCAAAAGAAATCAATTTTCAGACAGATGCGCTGCTGCAATGCTGCGCGAGTTGATATG 63
 DB 7 GCTAAAGCGTAAATTCGATTAAGCAGCGCTGCTGTAAGAAATGCTGCGCGTAAAGTA 66
 OY 64 TTACGATACCTCAAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 123
 DB 67 CTGCGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 126
 OY 124 GCTTTGCTTCCCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 183
 DB 127 TCTTTGCTGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGAC 186
 OY 184 GAAGATCTTTTAAACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 243
 DB 187 GAAGCAAGCTTCAAAATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 246
 OY 244 GATATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 303
 DB 247 GATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 306
 OY 304 GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 363
 DB 307 GGTGTAAGCTGTTGCTGCGGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 366
 OY 364 GCAACAGCAGCTGTTGAAGCCTTGAAGCAATGCTCAACCTGTATCTGCGAAGAA 423

Db	367	GCCTGTACCAGCTGCAGTTGAAAGAACTGAAAGCCGCTCCGATACCATCTGTACCTCTTAA	422
Oy	424	GCATATGGCTCAGAGTCGCTGCAGTATATCAACGCTC---TGAAAAAGTTGAGAGATATTC	480
Db	427	GCATATGGCTCAGAGTTGGTATACATCTCCGCTATCTCCGACGAACACCGTAGTAACTGATTC	486
Oy	481	TCGAAAGTATGAGCGCTGTGGCGCAAGATGAGTGTATTAACATCGAAGATCTCGAGT	540
Db	487	GCAGAAAGCATGAGCAAAATCCGTTAAAGAAAGCGTTATCCCGTTGAAAGACGATCCCGT	546
Oy	541	ATGGAAGAAAGAACTGAAATGTTGTGAAGCATGCATATTTGACCGGTGATACCTGTCTAA	600
Db	547	CTCGAGACAGAACTGGACCTGTTGTGAAGGATATCAATTCGACCGCTGCTACCTGTCTCT	606
Oy	601	TAATGTCTACAGACATATAAAAAATGAGTTGCAGACTTGTGAAMACCCATTTATTTATATC	660
Db	607	TACTTCATATCAACAGCCGGAAATCTGGCGCATGTGAATCTGAAACCCCGCTTACTCTGTG	666
Oy	661	ACGGATAAAAAGTGTCAAAACATCCAAAGACATTTTCCCATCTTGAGAAATCTTATAA	720
Db	667	CGTGCAAGAAATATCTCCAAACATCCGGAAATCTCCCGGTTCTGGAACCTGTTCCCAA	726
Oy	721	ACCAACCGTCATTACTCTATTATTCAGATGATGTGATGTGTGAAGCACTTCAACCTT	780
Db	727	GCAGGCAAAACCGCTGCTGATCTCATCTGCTGAAGATGTAGAAAGCGCAACCGCTGCAACCTGCT	786
Oy	781	GTCTTGAAACAAGATCTGTGATCTTTCATATGATGTTGTGTGTCAAAGCGCAGAGATTGGT	840
Db	787	GTATTGTAACCAATTTGTGAGCATGTAAGAAATCGCTGCGGTTTAAACACCGGCGCTCGC	846
Oy	841	GATGCTGTAAACCTATGCTTGTGAAGACATTTGTATCTTGACAGTGTGTACATGTATACA	900
Db	847	GATGCTGTGTAAACCTATGCTGCAGATATGCGAACCTCGATGCGCGGTACCGTGTATCTG	906
Oy	901	GAGATCTAGACATTTGAATTTAAAGATGCTACAAATGACAGCCCTGTGACAGGCTGTAAAG	960
Db	907	GAAAGATATCGGTATGTGACACTGTGAAAAAGCAACCTGTGAAGACCTGGGTCAAGCTAACGT	966
Oy	961	ATTACATTTATTAAGATATGACACAGTAAATTTGTTGAAGTTTACAGAACTTCAGAAAGTAT	1020
Db	967	GTGTGTGATCAACAAAGACACCCACATCATCATCATGTGGCGGGGTGAAGAGCTGCATTC	1026
Oy	1021	GCTAACCGTATTTCGACTGATTTAAATGSCAATTAGAAACAAACACTCTGCATCTTGACCGT	1080
Db	1027	CAGGCGCTGTCTCTCAGATCCGTACAGAGATTAAGAAAGCACTTCTGACTACGACCGT	1086
Oy	1081	GAAAAACTACAAAGACGTTTGGGAAATTAAGTGTGTGCTAGCTGTTATCAAGATGAGA	1140
Db	1087	GAAAAATGTGAGAAACCGGTACGCAATCTGGCAGGCGCGCTTGCAGATTATCAAGTGTGGT	1146
Oy	1141	GCTCCAAAGACAGACGCTTTAAAAAATGAAACTCTGCATTGAGATGCTCTAAATGCT	1200
Db	1147	GCTCTTACGGAAGTTGAAATGAAAGAAAAAAGACGCTTGAAGATGACCCCTCACCGG	1206
Oy	1201	ACACGTGACACCGCTTGAAGAAAGTATCGTTGCTGTGTGTGGAACAGCACTTATACGGTT	1260
Db	1207	ACCGCTCTGCGGTGAAGAAAGCGGTGTTGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT	1266
Oy	1261	ATTGAAAAAGTAGACGCTTTGTGAGCTTGTGAGGCGCATATGCTACTGAGACGTAAACA---TT	1314
Db	1267	GCCTTAACCTGGCTGACCTGCTGCTGTCTAGAAACAAACAGAAAGTGTGATTAAGATT	1322
Oy	1318	GTGCTTGCTGCTCTGAAAGAGCTGTACACTCAAAATTCCTTTAAAGCTGGGTGAGAAAGC	1372
Db	1327	GCATGTGTGTGATGAAAGCGTCCGCTGCTCGATCTGATTTGAATCGCGCGGAAGAAACG	1386
Oy	1378	TCCCTATATTGACAAAGTTGAAAAAACACCCCTCAGAAACAGAAATTAATGTGAGACA	1432
Db	1387	TCTTTGTTGTCTAACACCGTTAAAGCGCGCACGCAACATAGGGTTACAAAGCAGCAAC	1446
Oy	1438	GGTAGAGGGTTGATATATTAATAACAGAAATCAATATACCGTTAAAGTAAAGCAATACA	1492
Db	1447	GAGAAATACGCAACATGATGACATGGGTATCTCGATATCCAAACCAAGTATACCTGTTCT	1506

OY 1498 GCCTTCAAAATGCAAGCCTTCCGTACGACGCATTATTTTGACAACAGACAGCGTTGGCT 1557
DB 1507 GCGTCAGCATACGACGGCTTCTCTGTGGCGGTGANTGATCACACCAGCATGCGTTAAC 1566

OY 1558 AATAAAGCTGAACCAAGTCATGCCACGCCAGCCAGCAATGCGACAGCATGG 1606
DB 1567 GAAGCTGCGAAAAAGATGACACTGAACTTAGCGCGCTGCGGGATGG 1615

RESULT 4
US-09-472-971-7
Sequence 7, Application US/09472971
Patent No. 6197547
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: SOGO, Kazuyo
APPLICANT: YANAGI, Hidetaki
APPLICANT: YURA, Takashi
TITLE OF INVENTION: TRIGGER FACTOR EXPRESSION PLASMIDS
FILE REFERENCE: 1422-409P
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/472_971
CURRENT FILING DATE: 1999-12-28
EARLIER APPLICATION NUMBER: JP10-372965
EARLIER FILING DATE: 1998-12-28
NUMBER OF SEQ ID NOS: 7
SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
SEQ ID NO 7
LENGTH: 4524
TYPE: DNA
ORGANISM: Escherichia coli
US-09-472-971-7

Db 1808 AAGAGTACGAGGCTCCGACATTACAGAGAGCGGTGAGCGGTAGCGAAGAGATAGAA 1749
Oy 181 TTAGAGATCATTTTGGAAAAATGGAGCAAAAATGGTGTCTGAAGTGGCTCTTAAC 240
Db 1748 TTGGAGTCCCGCTTCGAGAACATGGGTGCCAGTGTGTAAGAGAGTCCCAAGC 1689
Oy 241 AATGATATTGCTGGTGTAGTGGAGGACACTACTGCAAGTGGTTGACACAGCACTGTGCAT 300
Db 1688 AATGACGATGCCGGGTGACGGGTACGACTACGGCTACAGATCTCTGCCAGAGCATTTACGGC 1629
Oy 301 GAAGGACTAAAAATGTGACAGCAGTGTCTAATCAATGGTATCCCTGAGGACATGAA 360
Db 1628 GTGGGTCTGAAAGAGCTTAAGGAGAGCCATCCATCGATTGAAAGCGTGTATCGAC 1569
Oy 361 ACAGCAAGCAAGAGCGTGTGAAGCTTGAAAGCCATTTGCTCAACCTGTATCTGGCAG 420
Db 1568 AAGCTGTAAAGGCTGTGTGATACATTTGCAAGTGTGAGTAAAGAGTGGCGCAGAC 1509
Oy 421 GAGCTATTGCTCGAGTGGCTGCAATATCATCACGCTC-----TGAAAAAGTTGAGAG 474
Db 1508 TTCCAGAGATCGAGCAGTACGCAAGATCTCTGCCACGAGAGCAAGAAATCTCGTAGC 1449
Oy 475 TATATCTCAGAAAGCTTGAAGCGTGTGGGCAACGATGTGTGATTAACATCGAAGAACT 534
Db 1448 CTCATTTGCCGAAGCAATGCGCAAGGTGAAGAAAGAGCGTTATACAGGTTAGAAAGAGCC 1389
Oy 535 CGAGTATGGAACAGAACTGAACTGTTGAAGGATGCAATTTGACGCTGTATACCTG 594
Db 1388 AAGGACCGACACTACGCTAGAAAGTGTGAGATGATGACAGTTCGACGCGCTACATC 1329
Oy 595 TCTCAATACATGTGTACAGCAATGAAAAATGGTTGACAGCTTGAAAGCCATTTAT 654
Db 1328 TCTCCCTACTCTCTGAACGAACACGAGATAGATGAGGTGCAAAATGGAAATCTTTATC 1269
Oy 655 TTAATCAGGATTAATAAGTGTCAAAACATTCGAACATTTGGCACTTGTAGAGAGT 714
Db 1268 CTCATCTACGACAAAGAAATATCCGCTCTGAAGAGATGCTCCGATCTCGAACACAG 1209
Oy 715 CTTAAACCAACCGTCAATTAATCTATTTGCAAGTATGTGATGTGTAAGCAACCTTCA 774
Db 1208 GTTCAAGGCGCAAGCCCTCTCTCATATTTGCAAGACATGCAAGCCAACTGCTGCC 1149
Oy 775 ACCCTTGTCTTGAACAAGATGCTGATCTTCAATGTGTGTGCTCTCAAAAGCCGACGA 834
Db 1148 ACCCTGTGTGAACCGTCTGCGGCGGACCTCAAGATCTGTGACTGAAGGCTCCGGA 1089
Oy 835 TTGTGTATGCTGTGAACCTATCTTGAAGACATTTGCTATCTTGAAGTGTACAGT 894
Db 1088 TTGCGCATGCTGCAAGGCTATCTCGAAGACATTTGCTATCCGACGCGGCAACGTT 1029
Oy 895 ATTACAGAGATCTAGACTGTAATTTAAAGATGTACATGACACCCCTTGGACAGCT 954
Db 1028 ATCAGCGAAGAGACCGGTCTGAGCTCGAAATAGTACAGGATGTGTGTGACAGCT 969
Oy 955 GCTAAGATTACAGTATGATTAAGATAGACAGTAATTTGTAAGTTCAGAGTTCAGAA 1014
Db 968 GAGAAAGTAAGGTTGATTAAGACATACATCTGTTAAAGGACCGGAAACAAAGAA 909
Oy 1015 GCTATTGCTAACGCTATGCACTGATTAATTTGCAATTAAGAAACAACTTCTGACTTT 1074
Db 908 GGCATGCTTACGATACGAGATTAAGGCTCAAGATCGAGATGCGACGACGAGTAC 849
Oy 1075 GACGCTGAAAACTACAGAAAGCTTTGGCGAAATTTAGCTGTGTAGCTTTATCAAA 1134
Db 848 GACGCGGAAAAAGCTCAAGAAAGCTTTGGCGAAAGCTGCTGTACCTGTTCTTTAC 789
Oy 1135 GTAGAGCTCAACAGAGACAGCTTTAAAGAAATGAAGCAATTCGATTGAGATGCTCTA 1194
Db 788 GTGGGTCTGCGACGCAAGATGAAATTAAGGAAAGAGATGCGGTAAAGATGCTTGG 729
Oy 1195 AATGCTACAGTGCAGCCCTTGAAGAGATGCTGTGCTGAGTGAAGCAGCACTATT 1254
Db 728 AGTGAACGCGTCTCATATGCAAGAGGATGATACCGGTGCGGTACGCAATCATTT 669

Oy 1255 ACGTTATTGAAAAAGTAGACGCTTGTAGCTTGAGGCGATGATGCTACTGAGCACTAC 1314
Db 668 CGTGCACTACTGCTCTTTGAAAGGTCTCAAGGTGAGAGAGAGCAAGCAACAGAGATAC 609
Oy 1315 ---ATTGCTGCTGCTCTCTGAAGAGCTGTAGCTGAATTTGCTTAATTTGTGGTAC 1371
Db 608 GAGTGTGAAAGCGCCATGAGAGCGCTGCTGTGATGATGCTGCAAGCGCGGTAA 549
Oy 1372 GAAGCTCGCTGATTTATGACAGTTGAAAAAGCCCTTGCAGAAAGATTTAATGCT 1431
Db 548 GAGGTGCTGCTGTGTGACAGAGGTGAAGAGGCAAGAGACGACTTGTGCAATGCC 489
Oy 1432 GCACAGGTGAGTGGTGTATGATTAATTAACAGCAATGATGACCTGTCAAGTACA 1491
Db 488 CGTACGAGATGTTTGAAGAACTCTACACTACCGGTGTATGACACCGCGCAAGTACA 429
Oy 1492 CGATCAGCGCTCAAAATGACAGCTGTAGCTAGCTTATTTGACAAAGAGAGT 1551
Db 428 CGTGTACATTTGAAAAATGCGAGCTGTATCGACGCTATGCTGTACTAGAGAGTGG 369
Oy 1552 GTTGTCTAATTAACCTGAACAGCTACGCGCAGCGCAACATCCAGAGGATGG 1606
Db 368 ATCGCTGACAGAAAGAAATATCTCTGCGCGCACCGGCAATCCCGAGGATATGG 314

RESULT 6
US-08-470-260-7
Sequence 7, Application US/08470260
Patent No. 6077706
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Corvaci, Antonello
APPLICANT: Bugnoli, Massimo
APPLICANT: Telford, John
APPLICANT: Macchia, Giovanni
APPLICANT: Rappelli, Rino
TITLE OF INVENTION: Helicobacter Pylori Proteins Useful
NUMBER OF SEQUENCES: 7
CORRESPONDENCE ADDRESS:
ADDRESSEE: Chiron Corporation
STREET: 4560 Horton Street
CITY: Emeryville
STATE: California
COUNTRY: USA
ZIP: 94608-2916
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.25
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/470,260
FILING DATE:
CLASSIFICATION:
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/256,848
FILING DATE: 21-OCT-1994
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: McClung, Barbara G.
REGISTRATION NUMBER: 33,113
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: (510) 655-3542
TELEFAX: (510) 601-2708
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 7:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 1838 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: single
TOPOLOGY: linear
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-470-260-7

Query Match 32.2%; Score 528.2; DB 3; Length 1838;
 Best Local Similarity 58.9%; Pred. No. 5.4e-146;
 Matches 965; Conservative 0; Mismatches 663; Indels 9; Gaps 3;

QY 1 ATGCAAAAGAAATCAATTTTCAGACAGATCGCGTGTCTGCCATGSGTGCCGAGCTTAT 60
 DB 58 ATGCAAAAGAAATCAATTTTCAGATAGTGCAGAAACCTTTATTTGAAGCGCTGAG 117
 QY 61 ATGTGACAGATACCGTCAAGTACGCTGTCTCTTAAGGCGCATCTTGTCTTAA 120
 DB 118 CAATCCATGACCGCTGTCAAGTACGCTGTCTCTTAAGGCGCATCTTGTCTTAA 177
 QY 121 AAGCTTTTGTCTCTTAAATTAATGAGGGGTACCATTTCTTAAGATGAA 180
 DB 178 AAGAGTATGCGCTTCAAGATCAACGAGCGGTGAGGGGTAAAGATTTAA 237
 QY 181 TTGAAGATCTTTGAAGATGAGCAAAATTTGTTCTGAATGCGCTTCTTAAAC 240
 DB 238 TTAAATTTGCCAGTATGATGAGCGCTTCACTGTTAAAGATGAGGAGCAAAAC 297
 QY 241 AATGATATTGCTGTGATGAGGAGCTACTGCAACAGTTTGAACACAGCATTTGTCAT 300
 DB 298 GCTGATGCTGCGCGGATGAGGAGCAACGAGCGCTGTAGTTATGCAATTTTAA 357
 QY 301 GAAGGACTAAAAATGTGACAGAGTGTCTATTCATTCATTCCTGAGGCAATGAA 360
 DB 358 GAAGGTTTGAAGATATCAGCGCTGAGCTTACCTATTTGAAGGAGCAAGGCAATGAT 417
 QY 361 ACAGCAACAGCAAGCATGTTGAACCTTGAACCATTTGCTCAACCTGTATCTGGCAAG 420
 DB 418 AAGGCTCTGAAGCATATTAATGATTTAAAGGAGCAAAAGATGAGCGCTTAA 477
 QY 421 GAAGCTATTGCTCAGTGTGCTGACATATCAAGCTC---TGAAAAATTGGAAGATAT 477
 DB 478 GAAAGAAATACCAAGTGGGAGCAATTTCTGCAACCTCGATCAATATCCGGAATC 537
 QY 478 ATCTCAAGATATGAGGCTGTGGCAAGATGTGTGATTACCATTCAGAAATCTGGA 537
 DB 538 ATGCTGAGGCTATGAGAAAGTGGTAAAGAGCGGTGATCAGCGTGAAGAGCTAAG 597
 QY 538 GGTATGAAAGAACTTGAAGTGTGAAGCATTTGACGCTGTACCTGTCT 597
 DB 598 GGCATTGAAAGATGATGATGCTGTGAAGGATGCAATTTGATGAGGCTACTCTCC 657
 QY 598 CAATACATGCTCAGACAAATGAAAAATGTTGAGACCTTGAACCATTTATCTTA 657
 DB 658 CTTATTTTGTACGAAGCGTGAAGAAATGACCGCTCAATGATTAATCTTACATCTT 717
 QY 658 ATCAGGATAAAAAGTCAACATCCAGCATTTTGGCAGTACTTGAAGAGTTCTT 717
 DB 718 TTACGCAATAAAAAATCTCTAGCATGAAGACATTTCTCCGCTACTAGAAAAAACCATG 777
 QY 718 AAAAAACCGCTCATTTACTATTTGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 777
 DB 778 AAGAGGCAAAACCGCTTTATATCATGCGAAGCATTTGAGGCGCAACCTTTAACGACT 837
 QY 778 CTTGCTTTGAACAGATGCTGTACTTCAATGTGTGCTGCAAAAGCGCAGGATTT 837
 DB 838 CTAGTGCGTAATAATTAGAGGCGTGTGATTAATTCGAGGGGTAAAGCTCCAGGGTTT 897
 QY 838 GGTATGCTGTAAAGCTATGCTTGAAGCATTTTATCTTGAAGGAGGATGATGAT 897
 DB 898 GGGAGACAGAAAGAAATGCTCAAGCATCTTATTTAACCGGCGGTCAATCATTT 957
 QY 898 ACAGAGATCTAGAGCTGAATTAAGATGCTAATAAGACACCTTGGACAGCTGCT 957
 DB 958 ACGGAAATTTGGCTTGAAGCTTGAAGGAGGATTTTGAAGGAGGATTTTGAAGGAGG 1017
 QY 958 AAGATTACAGTATGAAGATGACAGATTTGTTGAAGGTTGAGAGATGTTGAAGCT 1017
 DB 1018 AGGATTGATGATGACAGACACGATGCTGATGAGTGAAGGCGCATTTGATGAT 1077

QY 1018 ATTGCTACCGTATTCGACATGATTAATTCGCAATTAGAAACCAACATTTGACTTAC 1077
 DB 1078 GTTAAAGCAAGATTCGCGAGATCAAAACCAATTTGCAATGACGACGATTAAGAC 1137
 QY 1078 CGTGAATAACTACAGAACGTTTGGCAATTAAGTGTGTACTGTTATCAAGTA 1137
 DB 1138 AAGAAATAATTTGAAGAAAGATTTGCTTAAATCTCTGCGGTGTGCTGTATTAAGTG 1197
 QY 1138 GAGCTCCACAGAGACGCTTTAAAGAAATGAACCTTCGATTTGAGATGCTTAAT 1197
 DB 1198 GGCCTGTGAGTAAATGGAATGAAGAAAGAAAGAAAGGCGGTGATGAGCGCTTGAC 1257
 QY 1198 GCTACAGCTCAGCGCTTGAAGAGTATCTGTGTGTGTGCAACAGCACTATTAGG 1257
 DB 1258 GCGACTAAACGCGCGGTGGAAGAGGATTTGATGTGTGCGCGCTCTATTGCGC 1317
 QY 1258 GTTATGAAATGACAGCTCTTGAAGCTTGAAGGCGGATGATCTACATGACATTT 1317
 DB 1318 GCGGCTCAAAAGT---GCATTGATTTGCACTGATGATTAAGAAAGTGTGATTAATC 1374
 QY 1318 GTGCTTGTGCTGTAGAGAGCTGTACCTCAATTTGCTTAAATGCTGTGAGAGGC 1377
 DB 1375 ATCATGCGCCCAATTAAAGCCCAATTAGCTCAATTCCTATCAAGCTGTTATGATGCG 1434
 QY 1378 TCCGTAGTTATGACAGTTGAAGAAACAGCCCTGAGGAACAGATTTAATGCTGAC 1437
 DB 1435 GGTGTGCTGTGAATGAAGTGAAGAAACAGAGGCGATTTGTTTAAAGCTACAT 1494
 QY 1438 GGTAGTGGGTGATATGATTAAGAGAAATCATGACCGCTGCAAGTAAAGCATCA 1497
 DB 1495 GCGAAGATGTGATATGTTAAAGAAAGCATTAATGACCCCTTAAAGTGAAGAGATC 1554
 QY 1498 GCGCTCAAAATGACGCTTGTGATGCTTATTTTGAAGCAAGAGCATGTTGCT 1557
 DB 1555 GCTCTCAAAATGCGGTTTGAAGGCTTCAAGCGCTTAAACCAAGAGCAGCGT---G 1611
 QY 1558 AATAACCTGAAACAGCTTACGCGGAGCAGATTCGACAGATGATGATGATGATGAT 1617
 DB 1612 CATGAATTCAGAAAGAAAGAGCACTCGGCAATGCTGATATGAGTGTGATGAGCGGT 1671
 QY 1618 ATGGCTGGATGGCGG 1634
 DB 1672 ATGGAGGCAATGGCGG 1688

RESULT 7
 US-08-471-491-7
 : Sequence 7, Application US/084714918
 : Patent No. 6090611
 : GENERAL INFORMATION:
 : APPLICANT: Covacci, Antonello
 : APPLICANT: Bugnoli, Massimo
 : APPLICANT: Telford, John
 : APPLICANT: Macchia, Giovanni
 : APPLICANT: Rappuoli, Rino
 : TITLE OF INVENTION: Helicobacter Pylori Proteins Useful For Vaccines And
 : FILE REFERENCE: CHIR0044
 : CURRENT APPLICATION NUMBER: US/08/471.4918
 : NUMBER OF SEQ ID NOS: 8
 : SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
 : SEQ ID NO 7
 : LENGTH: 1838
 : TYPE: DNA
 : ORGANISM: Helicobacter pylori
 : US-08-471-491-7

Query Match 32.2%; Score 528.2; DB 3; Length 1838;
 Best Local Similarity 58.9%; Pred. No. 5.4e-146;
 Matches 965; Conservative 0; Mismatches 663; Indels 9; Gaps 3;

QY 1 ATGCAAAAGAAATCAATTTTCAGACAGATCGCGTGTCTGCCATGSGTGCCGAGCTTAT 60

Db 58 ATGCAAAAAGAAATCAAAATTTTCAGATAGTCGAGAAACCTTTTATTGTAAGCGGTGAG 117
 QY 61 ATGTAGCAGATACCGTCAAGATTAACGCTTGCTGCTCAAAAGGGCCAAATGTCTCTGCA 120
 Db 118 CAATCCATGACGCTGTCAAAATTAACATGAGGCGCAAGAGAGAGAAATGATATGATCA 177
 QY 121 AAAGCTTTGGTCTCCCTTAACTTAAATGAGGGGTACCATTTGCTTAAAGATGCA 180
 Db 178 AAAGCTATGCGCTCCAAACATCAACCAAGAGGCGGTGAGCGGTGAGTAAAGATGAA 237
 QY 181 TTGAAAGATCAATTTGAAACATGAGGCAAAATTTGCTGTAAGTGGCTCTTAAACC 240
 Db 238 TTAAAGTCCCAATGATGATGAGGCGCTCAACCTGTTAAAGAAATGACGAGCAAAACC 297
 QY 241 AATGATATGCTGTGATGAGGAGCACTACTGCAACAGTTTTCACAAACCATTTGTCAT 300
 Db 298 GCTGATGCTGCGCGCGATGAGCAACGACGAGCGCTGATGCTTATAGCATTTTAA 357
 QY 301 GAAGACTAAAAATGTGACAGCAGGCTGCTATCCAAATTTGCTGAGGAGCTGAA 380
 Db 358 GAAGGTTTGAGGAATATACAGCGCTGGGCTAACCTATTGAAAGTAAAGAGAGCTGAT 417
 QY 361 ACAGCAAGCAGACAGCTGTGAAAGCCATTGCTCAACCTGATCTATCTGCGAAG 420
 Db 418 AAAGCTCTGAAAGGATCATTTATGACTTAAAGAAAGGAGCAAAATTAAGCGGTAA 477
 QY 421 GAAGCTATGCTGAGTCCGCTGAGTATCATCAAGCTC---TGAAAGTTGGAGAGTAT 477
 Db 478 GAAGAAATCACCCAAAGTGGCGCATTTCTGCAAACTCGATCAATATGCGAAACTC 537
 QY 478 ATCTGAGAGCTATGAGGCGTGGGCAAGATGAGTATGATCAATCAAAATCTGCA 537
 Db 538 ATGCTGAGCCTATGAGAAATGAGGATGAGGAGCGGTGATCAACCTGAGAGAGCTAG 597
 QY 538 GGTATGAAACAGACTTGAATGTTGAAAGGATGACAAATTTGACCGGTGATCCCTGCT 597
 Db 598 GGCATTTGAGATGATGATGATGCTGAGAGGAGCTGAAATTTGATGAGAGCTACTGTC 657
 QY 598 CAATACATGTCACAGACATGAAAAATGTTGAGACCTTGAAGAACCATTTATCTTA 657
 Db 658 CCTATTGTTGAGCAAGCGTGAAGAAATACCGGCTCAATGATATATCTTACATCTT 717
 QY 658 ATCAGGATAAAAAGTGTCAACATCCAGACATTTTGCACATCTAGAGAGTCTT 717
 Db 718 TTACGATTAATAAAATCTCTAGCATGAAGACATTTCCCGCTACTAGAAACCATG 777
 QY 718 AAACCAACGCTCATTACTCTATTATGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 777
 Db 778 AAAGAGGCAACCGCTTTAATCATCGTGAAGACATGAGGCGCAACCTTACAGACT 837
 QY 778 CTGCTTGAACAAGATCGTGTGATCTTCAATGATGATGATGATGATGATGATGATG 837
 Db 838 CTATGCTGAATTAATTAAGAGCGGCTTGAATATGAGGAGGATGATGATGATGATG 897
 QY 838 GGTATGCTGCTAACTATGCTGGAAGACATGCTTATCTTGAACAGTGTGATGATG 897
 Db 898 GGGACAGAAAGAAATAATGCTCAAAAGACATGCTGATTTAAACCGGCGCAAGTCAAT 957
 QY 898 ACAGAGATCTAGACTTGAATTAAGATGCTTACATGACAGCCCTTGAAGAGCTGCT 957
 Db 958 ACCGAAATTTGGCTTGAAGTCTAGAAACGCTGAAGGCGGTTTATGCGCAAGGTGGA 1017
 QY 958 AAGATTACAGTGAATTAAGATAGCAGATTAATGTTGTAAGTTCAAGAGTGAAGCT 1017
 Db 1018 AGGATTGATGATGACAAAGACACACAGATCGATGATGCAAGAGCATATGAGATGAT 1077
 QY 1018 ATTGCTAACGATGATGATGATTAATGCAATTAAGCAACCAATCTTGAAGCTTGAAC 1077
 Db 1078 GTTAAAGACAGATGCGCGATGATTAAGCAACCAATTTGAGTACGCAAGGATATGAG 1137
 QY 1078 CGTGAAGAACTACAGAGAGCTTTGGCAATTAAGTGTGCTGATCTGATCAAGTA 1137

Db 1138 AAAGAAATTCAGAAAGAAAGATGCTTAACCTCTTGGCGGTGCTGTGATTAAGTG 1197
 QY 1138 GAGCTCAACAGACAGACGCTTTAAAGAAATGAAACCTTGCATGAGATGCTTAAT 1197
 Db 1198 GGCCTCTCGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAG 1257
 QY 1198 GCTACAGCTGACAGCCCTGGAAGAGTATCGTGTGCTGCTGAGTGAAGCAGCTATTA 1257
 Db 1258 GCGACTAAAGCGCGCTTGAAGAGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1317
 QY 1258 GTTATGAAGAAAGTGAAGCTGAGCTGAGGAGGATGATGATGATGATGATGATGAT 1317
 Db 1318 GCGGCTCAAAAGT---GCATTTGAATTTGCAAGATGATGAAGAAAGTGGCTATGAATC 1374
 QY 1318 GTGCTGTGCTCTGAGAGAGCCTGATGATCAATTTGCTTAAATGCTGATGAGAGAGC 1377
 Db 1375 ATCATGCGCGCATTAAGAGCCCATTAAGCTTAAATGCTATCAAGCTGTGATGATGAG 1434
 QY 1378 TCCGATATTGACAGATGAAAGTGAAGAAACAGCCCTGACAGAAAGATTAATGCTGACA 1437
 Db 1435 GGTGTGTGTGATGATGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT 1494
 QY 1438 GGTGAGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1497
 Db 1495 GCGAAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1554
 QY 1498 GCGCTTCAAAATGACGCTTCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1557
 Db 1555 GCTTACAAAGTGGGTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1611
 QY 1558 AATAACCTGAACAGAGTACCGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGT 1617
 Db 1612 CATTAATTAAGAAAGAAAGAAAGAGCAGCTCCGCAATCTGATGATGATGATGATG 1671
 QY 1618 ATGCGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1688
 Db 1672 ATGCGAGCATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG

RESULT 8
 US-08-466-662-7
 ? Sequence 7, Application US/08466662B
 ? Patent No. 6130059
 ? GENERAL INFORMATION:
 ? APPLICANT: Covacci, Antonello
 ? APPLICANT: Bugnoli, Massimo
 ? APPLICANT: Telford, John
 ? APPLICANT: Macchia, Giovanni
 ? APPLICANT: Rappelli, Rino
 ? TITLE OF INVENTION: Helicobacter pylori Proteins Useful For Vaccines And
 ? FILE REFERENCE: CHIR0057
 ? CURRENT APPLICATION NUMBER: US/08/466,662B
 ? NUMBER OF SEQ ID NOS: 8
 ? SOFTWARE: Patent Ver. 2.1
 ? SEQ ID NO 7
 ? LENGTH: 1838
 ? TYPE: DNA
 ? ORGANISM: Helicobacter pylori
 US-08-466-662-7

Query Match 32.2% Score 528.2 DB 3: Length 1838;
 Best Local Similarity 58.9% Pred. No. 3,4e-146;
 Matches 963; Conservative 0; Mismatches 663; Indels 9; Gaps 3;
 QY 1 ATGCAAAAAGAAATCAAAATTTTCAGATGCGCTGCTGCAATGCTGCGCGGATGAT 60
 Db 58 ATGCAAAAAGAAATCAAAATTTTCAGATGCGGAGAAACCTTTATTTAGAGCGGTGAG 117
 QY 61 ATGTAGCAGATACCGTCAAGATTAACGCTTGCTTAAAGGCGCAATGTTCTCTGAA 120
 Db 118 CAATCCATGACGCTGTCAAAATTAACATGAGGCGCAAGAGAGAAATGATATGATCA 177

QY 121 AAAGTTTGGTCTCCCTTAATTACTATGACGGGGTAACCATGCTTAAGAGATCGAA 180
 DB 178 AAAACATGCGCCCTCCAGAGCATCAACCAAGAGCGGTGAGCCTGGCTTAAGATTTGA 237
 QY 181 TTAGAAAGATATTTTAAACATGAGGCAAAATGGTGTCTAAGTGGCTTTAAACC 240
 DB 238 TTAACTTGGCCCATACCTAATACATGGCGCTCAACCTGTTAAAGATGAGCAAAACC 297
 QY 241 AATGATATTCCTGTGATGAGCAGCACTACGACAGTTTGTACACAGCCATTGTTCA 300
 DB 298 GCTGATGCTCGCGGATGAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 357
 QY 301 GAAGCACTAAAAATGTACAGCAGGTGTAAATCCAAATGGTATCCGTGAGCAGATTGAA 360
 DB 358 GAAGGTGTGGAGATATCAACGGGTGGGCTTAACCTTATTAAGTAAAGAGCAGCATGAT 417
 QY 361 ACAGCAACAGCAACAGCTGTTGAAGCCTTGAAGCCATTGCTCAACCTGTATCGGCAAG 420
 DB 418 AAGGCTCTGACCAATCATTAATGAGCTTAAAAACGAGCAAAAAAGTAGGCGTTAA 477
 QY 421 GAAGCTATTCCTAGTGTGCTGAGTATCATAGGCTC---TGAAAAAGTTGGAGAGTAT 477
 DB 478 GAAGAAATCACCCAGATGGCGACATTCTGTGAACCTGATACATATTCGGAAATC 537
 QY 478 ATCCCAAGACCTATGAGCCTGTGGGCAAGCAGTGTGATTTACATGCAAGATTCGA 537
 DB 538 ATCCCTACCCCTATGAAAAAGTGGTAAAGCGGTGATCAACCTGTGAGAGCACTAAG 597
 QY 538 GGTATGAAACAGAACTTGAAGTGTGGAAGCATTCGATTTGACCGTGTGTACTGTCT 597
 DB 598 GGCATTTAAGATGAAATGTGATGATGAGAGCAGTGAATGGAATGAGAGCTCATCC 657
 QY 598 CAATACATGCTCACAGACATGAAAAATGTTGCAAGCCTTGAAGAACCATTTACTTTA 657
 DB 658 CCTTATTTGTAGCAACGCTGAGAAAAATGACCCCTCAATTTGATTAATGCTTACATCTT 717
 QY 658 ATCCAGGATAAAAAGTGTCAACATCCAGACATTTTGCACCTACTGAGAGATCTT 717
 DB 718 TTAACGGATAAAAATCTCTACATGAAAGACATTCCTCCCTACTAGAAAAAACATG 777
 QY 718 AAAACCAACGCTCATCTACTATTTATGAGATGATGATGATGAGAGCACTCCACAC 777
 DB 778 AAAAGGGCAAAACCCCTTTAATCATCGCTGAGACATTTGAGGGGAAGCTTTAACGACT 837
 QY 778 CTGCTTGAACAATATCGTGTACTTCAATGCTGTTGCTGTCGTAAGCCGACGATTT 837
 DB 838 CTAGTGTGATTAATTAAGAGCGGTGTTGAATTCGACGCGTTAAAGCTCCAGGCTTT 897
 QY 838 GGTGATCGCTGAAGGATGCTGAACATCTCTATCTTACAGGTGCTACAGTAT 897
 DB 898 GGGAGCAGAAAGAAATGCTCAAAAGACATGCTATTATTAACCGGCGGTCAAGTCAAT 957
 QY 898 ACAGAGATCTAGACTTGAATTAAGATGCTACAAATGACAGCCCTTGGACAGGCTGCT 957
 DB 958 AGCAAGAAATGGCGCTTGAAGTGAAGAAACCTGAAAGTGTGAGCAAAAGCTGGA 1017
 QY 958 AAGATTACAGTTGAATGAAGATGACAGTAAATGTTGAAGTTGAGGAATTCAGAACT 1017
 DB 1018 AGGATTGTATGACAAAGAACACACGATGCTGATGGAAGGCCATAGCATAT 1077
 QY 1018 ATTGCTAACCGTATTCGACTGATTAATTCGCAATTTGAACCAAACTTCTACTTTAC 1077
 DB 1078 GTTAAGAACAGATGCGCGAGATCAAAACCAATTCGACAGTACAGCAAGCATATGAC 1137
 QY 1078 CGTGAAGAACTCAAGAACTTTGGCGAAATTAAGTGTGTGATGCTTTATCAACATA 1137
 DB 1138 AAGGAAAAATTTGCAAGAAATTTGCTATGCTGCGGCGGTGCTGATGTTAAATG 1197
 QY 1138 GAGAGCTCAACAGAGACGCTTTAAAGAAATGAACCTTCGATTTGAGAGATGCTCTAAT 1197
 DB 1198 GGCCTGTGAGATGATGAAATGAAAGAAAAAGACCGGCGGTGATGACGCGTTGAGC 1257

QY 1198 GCTACACGTCACCCGCTGTAAGAGATATGCTGTGTGAGAACAGCACTTATACG 1257
 DB 1258 GCGATTAAGCGCGGTGTAAGAAAGCAATTTGATGATGCTGCGGTGCTTATTCG 1317
 QY 1258 GTTATTAAGAAAGTACAGCTCTTGAAGCTTGAAGCGGATGATGCTACTGAGCACTT 1317
 DB 1318 GCGGCTCAAAAAGT---GCATTTGAATTTGCACGATGAGAAAAAGTGGCTATGAATC 1374
 QY 1318 GTGCTCGGTCTAGAGAGCCTGATACGTAATTTGCTTTAAATGGTGGAGCAAGG 1377
 DB 1375 ATCATCGCGGCATTAAAGCCCATTAAGCTTAATGCTCAATCAACGCTGGTTATGATGC 1434
 QY 1378 TCCGTATTTAGCAAGTTGAAAAACGCGCTGCAAGACAGATTTAATCTGCAACA 1437
 DB 1435 GGTGTGTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1494
 QY 1438 GGTGATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1497
 DB 1495 GCGAGATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1554
 QY 1498 GCGCTTCAAAATGACCTTCTGTAGCTATGATTTTGAACACAGACAGCACTGTTGCT 1557
 DB 1555 GCTCTACAAATGCGGTTTGGTTTCAAGCCTGCTTTTACACAGACAGACCCGCT---G 1611
 QY 1558 AATAAAGTGAACCACTACGCGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAG 1617
 DB 1612 CATGAATCAAAAGAAAGAAAGCACTCGCGCATGCTGATATGAGGTGCGATGGCGGT 1671
 QY 1618 ATGCGTGGATGGCGG 1634
 DB 1672 ATGAGAGCATGGCGG 1688
 RESULT 9
 US-08-256-847C-6
 : Sequence 6, Application US/08256847C
 : Patent No. 6403099
 : GENERAL INFORMATION:
 : APPLICANT: Rappuoli, Rino
 : APPLICANT: Costantino, Paolo
 : TITLE OF INVENTION: Conjugates Formed From Heat Shock Proteins And Oligo or Polysa
 : FILE REFERENCE: CHIR-0042
 : CURRENT FILING DATE: 1994-11-01
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP93/00516
 : PRIOR FILING DATE: 1993-03-08
 : PRIOR APPLICATION NUMBER: FI92A000058
 : NUMBER OF SEQ ID NOS: 7
 : SOFTWARE: PatentIn version 3.1
 : SEQ ID NO 6
 : LENGTH: 1838
 : TYPE: DNA
 : ORGANISM: H. pylori
 : FEATURE:
 : NAME/KEY: CDS
 : LOCATION: (58)..(1695)
 : OTHER INFORMATION:
 US-08-256-847C-6
 Query Match 32.2%; Score 528.2; DB 4; Length 1838;
 Best Local Similarity 58.9%; Pred. No. 5.4e-146;
 Matches 965; Conservative 0; Mismatches 663; Indels 9; Gaps 3;

QY	121	AAAGCTTTGGTTCCCTTAATTAATGACGGGGGTACCATGCTTAAGAGTGGAA	180
Db	178	AAAACCTATGGCGCTCCAGCATCCACCAAGCGCGTGACCGTCTAAAGATTGAA	237
QY	181	TTTGAAGATCATTTTGTAAAAAAGTGGAGCAAAATTTGGTCTGTAAGGCTTCTAAAC	240
Db	238	TTAAAGTCCCACTACTAACTAGTGGCGCTCACTGCTTTAAAGAAAGTAGAGCAAAAC	297
QY	241	AATGATTTATGGTGTGAATGGGACGCACTACTGCAACAGTTTGGACACAGCAATGGTCAT	300
Db	298	GCTGATGCTCGCGCGCATGGCACGACACAGCAACGCGATGCTGATTTAGCAATTTTAA	357
QY	301	GAAAGACATAAAAAATGTGACACAGGTGCTAATCCAAATTGGTATCCGTGAGGCAATGAA	360
Db	418	AAAGTGTGTAGACGATCTTAATGAGCTTTAAAAAAGGACCAAAAAATAGCGCTAAA	477
QY	421	GAACTATTGCTCAGTCCGTGCAAGTATCATCCGCTC -- TGAAAAATTGGAGATAT	477
Db	478	GAAAGAAATATCCCAATGGCCACCAATTTCTGCAAAATCTCGATCAATATCGGAAATCTC	537
QY	478	ATCTCAGAACTATGAGCGGTGTGGCGAACGATGTGTGATTAACATCAAAATATCGA	537
Db	538	ATCTGATACCTATATGCAAAAAAGTGGGTAAAGACGGCGATACACCTGTAGAGAACTAG	597
QY	538	GCTATGCAAAACAATCTGGAAGTGGTGAAGACATGCAATTTGACGCTGTACTGTCTG	597
Db	598	GGCATATGAATGAATGGAATGTGTGAAAGGCAATGTAATGATAGAGCTACTCTCC	657
QY	598	CAATCATGTGTCAACACATATGAAAAAATGGTTGGAGCGTGTAAACCACTTATCTTA	657
Db	658	CCATTATTTGTATACGAAGCGTGAABAAATATGACCCTCAATTTGATTAATCTTTACATCTT	717
QY	658	ATCCAGATATAAAAAGTGTCAACAATCCAAAGCAATTTTGGCAGTACTTGGAGAAAGTCTT	717
Db	718	TTAAGCGATATAAAAATCTCTAGCATGAAGCAATCTCCCGCTACTGAATAAAAAACATC	777
QY	718	AAAAACAACGTCATCTACTATTATTCAGATGTGTGATGTGTAAGCACTTCACAAC	777
Db	778	AAAGAGGCGAAACCGCTTTTAAATCATGCTGAAGACATTAAGGGCAACCTTTAAACAGCT	837
QY	778	CTTGTCTTGAACAAGATGTCGTGTACTTTCAATGTGTTCTGTCAAAACCGCAAGATT	837
Db	838	CTAGTGTGATTAATTAATGAAGGGGTGTGGAATATACGACGCGTTAAAGCTCCAGGCTT	897
QY	838	GCTCATGTCGTGAAGCTATGCTTGAAGCAATTCGTTCTTGAAGGTGTGACAGTATT	897
Db	898	GGGACAGAAAGAAAGAAATCTCAAGACATCGCTATTTTAAACCGCGGTCAGTCACT	957
QY	898	ACAGAGATCTAGAGCTTGAATTTAAAGATGCTCAATATGACACCCCTTGGACAGGCTGCT	957
Db	958	AGCAAAATATGGGCTTGAGCTAGAAAACCGTGAAGGAGATTTTATGGCAAGGCTGGA	1017
QY	958	AAGATTTCAAGTTGAATGAAGATAGACAGATGAATGTGTGAAGCTTCAAGAAAGTTGCAAGCT	1017
Db	1018	AGGATTTGTGATGACAAGAACACACACGATCGAGATGGCAAAAGCCATAGCATGAT	1077
QY	1018	ATTCTCAACCGTATTTGCACTGATTAATATGCAATTAGAAACAACATTTGCACTTTGAC	1077
Db	1078	GTTAAAGACAGAGTGGCGAGATCAAAACCCCAATTCAGATGACACAAAGCATATATGAC	1137
QY	1078	CGTAAAAAGCTCAGAAAGCTTTGGGGAATATAGCTGTGTGTGAGTGTATTAAGTA	1137
Db	1138	AAAAAAAATTCGAGAAAGATTTGCTTAATCTCTGCGGCTGTGCTGTATTTAAAGTG	1197
QY	1138	GGAGCTCAACAGACAGCTTTTAAAGAAATGAACCTTGCACTTGGAGTGTCTTAAT	1197
Db	1198	GGCGCTCCAGTGAAGTGAATATGAAGAAACCAACCGGATGATGAAGCGCTGTAGAC	1257
QY	1198	GCATACGTGACCCGTTGAAGAAAGTATCGTCTGTGTGTGAACAGCACTTAATTAAG	1257

Db 1258 GCGAGTAAACCGCGCGGTGGAGAAAGGCAATGTGATTTGGGCGGTGGCGCTCTATTCGCT 1317

Qy 1258 GTTATATGAAAAGTATGACAGCTCTTGAGCTTGAGGCGGATGATGCTACTGACGTACATT 1317

Db 1318 GCGGCTCAAAAGT---GCATTGAATTTGGACAGTAAAGAAAAAGTGGCGTATGAATATC 1374

Qy 1318 GTGCTGCTGCTCTCTGAAAGAGCCGTAGCTCAAAATTTGCTTTAAATGCTGGGTAGCAAGCG 1377

Db 1375 ATCATAGCGGCCCACTTAAAGCCCATTAAGTCTCAAAATGCTATCAACGCTGGTATGATGATGCG 1434

Qy 1378 TCCGTAGTATTGACAGTTGAAAGAAAAACAGCCCTGACAGAAACAGATTTAACTGTCGACAA 1437

Db 1435 GGTGTGGTCTCTGAAAGAGTAGAAAAACAGAAAGGCGCATTTTGGTTTAACTGATGCAAT 1494

Qy 1438 GGTGAGTGGGTGATGATGATTAATAAACAAGATCATTTGACCCCTGCAAACTAACAGCATCA 1497

Db 1495 GCGCAAGTATGTGATATGTTTAAAGAAAGCATTTATGACCCCTTAAAGTATGAAGATC 1554

Qy 1498 GCGCTCAAAATGACAGCTGCTGAGTATGCTATTTATTTAGACAAGACAGTGTGCT 1557

Db 1555 GCTGTACAAATATGCGGTGTGGTTTCAGAGCTGCTTTTACACAGAACACCGT---G 1611

Qy 1558 AATTAACCTGAAACAGCTACGCCAGCCGACCAATCCAGCAGATGATGATCAGAAATG 1617

Db 1612 CATGAAATCAAGAAAGAAAGACGACTCCGCAATGCCATGATGATGGATGCGATGGCGGT 1671

Qy 1618 ATGGGTGGATGGGCGG 1634

Db 1672 ATGGAGGCAATGGGCGG 1688

RESULT 10

US-08-467-822-28

: Sequence 28, Application US/08467822

: Patent No. 5843460

GENERAL INFORMATION:

APPLICANT: Labigne, Agnes

APPLICANT: Sauerbaum, Sebastien

APPLICANT: Ferrero, Richard L.

APPLICANT: Thibierge, Jean-Michel

TITLE OF INVENTION: IMMUNOGENIC COMPOSITIONS AGAINST

TITLE OF INVENTION: HELICOBLACTER INFECTION, POLYPEPTIDES FOR USE IN THE

TITLE OF INVENTION: COMPOSITIONS, AND NUCLEIC ACID SEQUENCES ENCODING SAID

TITLE OF INVENTION: POLYPEPTIDES

NUMBER OF SEQUENCES: 44

CORRESPONDENCE ADDRESS:

ADDRESSEE: Flinagan, Henderson, Farabow, Garrett &

ADDRESSEE: Dunner

STREET: 1300 I Street, N.W.

CITY: Washington

STATE: D.C.

COUNTRY: USA

ZIP: 20005-3315

COMPUTER READABLE FORM:

MEDIUM TYPE: Floppy disk

COMPUTER: IBM PC compatible

OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS

SOFTWARE: PatentIn Release #1.0, Version #1.30

CURRENT APPLICATION DATA:

APPLICATION NUMBER: US/08/467,822

FILING DATE: 06-JUN-1995

CLASSIFICATION: 435

PRIOR APPLICATION DATA:

APPLICATION NUMBER: US 08/447,177

FILING DATE: 19-MAY-1995

CLASSIFICATION: 435

PRIOR APPLICATION DATA:

APPLICATION NUMBER: US 08/432,697

FILING DATE: 02-MAY-1995

CLASSIFICATION: 435

ATTORNEY/AGENT INFORMATION:

NAME: Meyers, Kenneth J.

REGISTRATION NUMBER: 25,146
 REFERENCE/DOCKET NUMBER: 03495, 0137-02000
 TELECOMMUNICATION INFORMATION:
 TELEPHONE: (202) 408-4000
 TELEFAX: (202) 408-4400
 INFORMATION FOR SEQ ID NO: 28:
 SEQUENCE CHARACTERISTICS:
 LENGTH: 2284 base pairs
 TYPE: nucleic acid
 STRANDEDNESS: double
 TOPOLOGY: linear
 MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
 US-08-467-822-78

Query Match 30.3%; Score 496.2; DB 2; Length 2284;
 Best Local Similarity 58.2%; Pred. No. 1,7e-136;
 Matches 952; Conservative 0; Mismatches 673; Indels 12; Gaps 4;

1 ATGCGAAAAGAAATTTTTCAGCAAGATGGCGTCTGCTCCATGTCGCGGAGTTGAT 60
 Db 506 ATGCGAAAAGAAATTTTTCAGCAAGATGGCGGCGCAAGAACTTTTATGAAAGGCTAAGA 565
 Oy 61 ATGTTACGACATACGCTCAAGTACGCTGCTTAAAGGCGCAATGTTGTTCTTGA 120
 Db 566 CAATCTCATACGCTGCTCAAGTACGCTGCTTAAAGGCGCAAGGAGGAGCTGTGATCACA 625
 Oy 121 AAGCTTTGCTGCTCTCCCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 180
 Db 626 AAGCTTTGCTGCTCTCCCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 685
 Oy 181 TTAGAAGATCATTTTGAAGATGAGGAGCAAAATTTGTTGCTGAAGTGGCTTAAAGC 240
 Db 686 TTAGAAGATCATTTTGAAGATGAGGAGCAAAATTTGTTGCTGAAGTGGCTTAAAGC 745
 Oy 241 AATGATATGCTGCTGATGAGGAGCAAGTACGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 300
 Db 746 GCTGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 805
 Oy 301 GAAGGACTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 360
 Db 806 GAAGGACTTAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 865
 Oy 361 ACAGCAGACCAAGAGCTGTAAGGCTTGAAGGCTTGAAGGCTTGAAGGCTTGAAGGCT 420
 Db 866 AAGGCGCTTGAAGGCTTGAAGGCTTGAAGGCTTGAAGGCTTGAAGGCTTGAAGGCT 925
 Oy 421 GAAGCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 477
 Db 926 GAAGCTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 985
 Oy 478 ATCTCAGACCTATGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 537
 Db 986 ATCTCAGACCTATGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1045
 Oy 538 GGTATGCAACAGAACTTGAAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 597
 Db 1046 GGTATGCAACAGAACTTGAAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1105
 Oy 598 CAATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 657
 Db 1108 CATTACTTTGTAACCAAGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCT 1165
 Oy 658 ATGCAAGATTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCT 717
 Db 1166 TTAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCTGTAAGGCT 1225
 Oy 718 AAGCAACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 777
 Db 1226 AAGCAACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1285
 Oy 778 CTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 837
 Db 1286 CTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1345

Oy 838 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGTAT 897
 Db 1346 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGTAT 1405
 Oy 898 ACAGAGATCTAGGACTTGAATTAAGATGCTACATGACAGGCTTGGACAGGCT 957
 Db 1406 AGGAGATGCTAGGACTTGAATTAAGATGCTACATGACAGGCTTGGACAGGCT 1462
 Oy 958 AAGTATGCTAGGACTTGAATTAAGATGCTACATGACAGGCTTGGACAGGCT 1017
 Db 1463 AAGTATGCTAGGACTTGAATTAAGATGCTACATGACAGGCTTGGACAGGCT 1522
 Oy 1018 ATGCTAAGCTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1077
 Db 1523 GCTAAGAGAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1582
 Oy 1078 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1137
 Db 1583 AAGTATGCTAGGACTTGAATTAAGATGCTACATGACAGGCTTGGACAGGCT 1642
 Oy 1138 GAGCTGCTGACAGGCTTGAATTAAGATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1197
 Db 1643 GAGCTGCTGACAGGCTTGAATTAAGATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1702
 Oy 1198 GCTACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1257
 Db 1703 GCTACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1762
 Oy 1258 GGTATGCAACAGAACTTGAAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1317
 Db 1763 GGTATGCAACAGAACTTGAAGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1819
 Oy 1318 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1377
 Db 1820 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1879
 Oy 1378 TCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1437
 Db 1880 TCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1939
 Oy 1438 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1497
 Db 1940 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1999
 Oy 1498 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 1557
 Db 2000 GGTGATCGTCTGAAGCTATGCTGTAAGCAATGCTATCTGACAGGCTGACAGT 2056
 Oy 1558 AATTAACCTGACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1617
 Db 2057 AATTAACCTGACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2116
 Oy 1618 ATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 1634
 Db 2117 ATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2133

RESULT 11
 US-08-432-697-28
 Sequence 28, Application US/08432697
 Patent No. 6248330
 GENERAL INFORMATION:
 APPLICANT: Labigne, Agnes
 APPLICANT: Sauerdam, Sebastien
 APPLICANT: Ferrero, Richard L.
 APPLICANT: Thibierge, Jean-Michel
 TITLE OF INVENTION: IMMUNOGENIC COMPOSITIONS AGAINST
 TITLE OF INVENTION: HELICOBACTER INFECTION, POLYPEPTIDES FOR USE IN THE
 TITLE OF INVENTION: COMPOSITIONS, AND NUCLEIC ACID SEQUENCES ENCODING SAID
 NUMBER OF SEQUENCES: 44
 CORRESPONDENCE ADDRESS:

ADDRESSEE: Plimagan, Henderson, Farabow, Garrett &
ADDRESSEE: Dunner
STREET: 1300 I Street, N.W.
CITY: Washington
STATE: D.C.
COUNTRY: USA
ZIP: 20005-3315
COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.30
CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US-08/432,697
FILING DATE: 02-MAY-1995
CLASSIFICATION: 424
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Meyers, Kenneth J.
REGISTRATION NUMBER: 25,146
REFERENCE/DOCKET NUMBER: 03495.0137-00000
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: (202) 408-4400
TELEFAX: (202) 408-4400
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 28:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 2284 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: double
TOPOLOGY: linear
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-432-697-26

Query Match 30.3%; Score 496.2; DB 4; Length 2284;
Best Local Similarity 58.28; Pred. No. 1,76-136;
Matches 952; Conservative 0; Mismatches 673; Indels 12; Gaps 4;

QY 1 ATGGCAAAAGAAATCAATTTTTCAGACATCGCGTGTCCATGTCGCGGAGTTGAT 60
DB 506 ATGGCAAAAGAAATCAATTTTTCAGACATCGCGTGTCCATGTCGCGGAGTTGAT 60
QY 61 ATGTAGCAGATACCGTCAAGTAAGTACGCTTCTTAAAGGCGCAATGTTGCTTGA 120
DB 566 CAATCATGAGCGGTCAAGTAAGTACGCTTCTTAAAGGCGCAATGTTGCTTGA 120
QY 121 AAAGCTTTTGTCTCCCTTAATTAATGAGGAGGAGTACCATGCTTAAGAGATCGAA 180
DB 626 AAAGCTTTTGTCTCCCTTAATTAATGAGGAGGAGTACCATGCTTAAGAGATCGAA 180
QY 181 TTAGAAGATCATTTTGAAGACATGGAGCAAAATGAGTGTCTGAAGTGGCTCTAAAC 240
DB 686 TTAGAAGTGGCGCTTAAATGAGGAGGAGTGTCTGAAGTGGCTCTAAAC 240
QY 241 AATGATATGCTGGTGTAGTGGAGCTACTGCAACGATTGACACAGCATTTGCTAT 300
DB 746 GCGATGCGCGCGCGATGAGCAGCAGCAGCAGCGTGTGCTTATGCAATTTTAA 805
QY 301 GAAGCACTTAAATGTGACAGAGTGTCTAATCAATTTGATCCGTCGAGCAATGAA 360
DB 806 GAAGCACTTAAATGTGACAGAGTGTCTAATCAATTTGATCCGTCGAGCAATGAA 360
QY 361 ACAGCAACGACAGAGCTGTGAAAGCCCTGAAGCCATGCTCAACCTGATCTGCAAG 420
DB 866 AAAGCCCTGAAGCCATGATTAATGAGCTTAAAGAGCAGCAAAAGAGGCGGTGAA 925
QY 421 GAAGCTATTTCTCAGTGTCTCAGTATCATCATGCTC---TGAAGAGTGGAGAGAT 477
DB 926 GAAGCTATTTCTCAGTGTCTCAGTATCATCATGCTC---TGAAGAGTGGAGAGAT 477
QY 478 ATCTCAGAGCTATGAGAGTGTGGGCAAGGATGTGATTAACATCAAGAAATTCGA 537
DB 986 ATCTCAGAGCTATGAGAGTGTGGGCAAGGATGTGATTAACATCAAGAAATTCGA 537
QY 538 GGTATGAAAGCAAGACTTGAAGTGTCTGAAGCAATTTGACGCTGATCTGCT 597

DB 1046 GGCATTGAAGATGATTAATGATGCTGTAAGAGATGCAATTTGATGAGGCTCTCTCC 1105
QY 598 CAATCATGCTCAGACAGCAATGAAAAAGTGTGACAGCTTGAAGCCATTTATCTTA 657
DB 1106 CTTACTGTTGTAACCAAGCGTGAAGAAATACCGGTCAATTTGATTAACCTTACTT 1165
QY 658 ATCAGGATTAAGAAAGTGTCAAGATCAAGACATTTTGGCACTACTGATGAGAGTTCT 717
DB 1166 TTACGGATTAAGAAATCTGATGATTAAGATCAATTTCCCGGTACTGTAAGAAACATG 1225
QY 718 AAACCAACCGCTCAATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 777
DB 1226 AAAGAGGCGCAAGCGCTTTTAAATCATGCTGAAGACATTTAGGCGCAAGCTTAAAG 1285
QY 778 CTGTCTTGAACAAGATGCTGATCTTCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 837
DB 1286 CTGTGTGTAATTAATTAAGAGCGGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1345
QY 838 GGTGATGCTGTAAAGCTATGCTGAAGACATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 897
DB 1346 GGGGACAGAGAAAAAATGCTCAAGACATGCTGTTTAAAGCGGCGTCAAGTCAAT 1405
QY 898 ACAGAGATCTAGAGCTTGAATTAAGATGCTACATGACAGCCCTGTGACAGGCTGCT 957
DB 1406 AGCGAAGATTTGGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 957
QY 958 AAGATTACGTTGATTAAGATGACAGCAATGTTGAAGGTTCAAGAGTTCAAGAGCT 1017
DB 1463 AAGATTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1522
QY 1018 ATTCGTAACGCTATTCATGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1077
DB 1523 GTCAAGACAGATGCTCCCAATCAAAACCAATTCAGACAGCAAGGATTTACGAC 1582
QY 1078 CCGTGAAGAAATACAGAAAGCTTTGCGAAATTTAGCTGATGATGATGATGATGATGAT 1137
DB 1583 AAGGAAATTTGCAAGAAAGATTTGCGCAATCTCTGCGGTGTGATGATTAAGTG 1642
QY 1138 GAGCTCCACAGACAGCACTTTAAAGAAATGAAATGCTTGAAGATGATGATGATGAT 1197
DB 1643 GCGCTGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAG 1702
QY 1198 GGTACAGTGCAGCGCTTGAAGAGTATGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1257
DB 1703 GCGACTTAACGCGCTTGAAGAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1762
QY 1258 GTTATTAAGAAAGTACAGCTCTTGAAGCTTGAAGGCGATGATGATGATGATGATGAT 1317
DB 1763 GCGGCGCAAAAGT---GCAATTTGAATTTACAGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1819
QY 1318 GTGCTGCTCTGTGAAGAGCTGTACGTCAAATTTCTTAATGCTGTGATGATGATGATGAT 1377
DB 1820 ATCATGCGCCCATTAAGAGCTTGAAGTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1879
QY 1378 TCCGATTTATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1437
DB 1880 GGTGTGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1939
QY 1438 GGTGTGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1497
DB 1940 GGTGTGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1999
QY 1498 GGTGTGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1557
DB 2000 GGTGTGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2056
QY 1558 AATTAACCTGACAGCTGACAGGCGCAGCAATGCAAGAGTGTGATGATGATGATGATGAT 1617
DB 2057 CATTAATTAAGAAAGAGAGGCGCCAGCAATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2116
QY 1618 ATGCTGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1634

Db 2117 ATGGAGCATGGCGG 2133

RESULT 12
US-08-466-248-28
Sequence 28, Application US/08466248
Patent No. 6258359

GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Labigne, Agnes
APPLICANT: Savetbaum, Sebastien
APPLICANT: Fettero, Richard L.
APPLICANT: Thibierge, Jean-Michel
TITLE OF INVENTION: IMMUNOGENIC COMPOSITIONS AGAINST
TITLE OF INVENTION: HELICOBLACTER INFECTION, POLYPEPTIDES FOR USE IN THE
TITLE OF INVENTION: COMPOSITIONS, AND NUCLEIC ACID SEQUENCES ENCODING SAID
NUMBER OF SEQUENCES: 44
CORRESPONDENCE ADDRESSES:
ADDRESSEE: Finnegan, Henderson, Farabow, Garrett &
ADDRESSEE: Dunner
STREET: 1300 I Street, N.W.
CITY: Washington
STATE: D.C.
COUNTRY: USA
ZIP: 20005-3315

COMPUTER READABLE FORM:
MEDIUM TYPE: Floppy disk
COMPUTER: IBM PC compatible
OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.30

CURRENT APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US/08/466,248
FILING DATE: 06-JUN-1995
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/447,177
FILING DATE: 19-MAY-1995
CLASSIFICATION: 435
PRIOR APPLICATION DATA:
APPLICATION NUMBER: US 08/432,697
FILING DATE: 02-MAY-1995
CLASSIFICATION: 435
ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
NAME: Meyers, Kenneth J.
REGISTRATION NUMBER: 25,146
REFERENCE/DOCKET NUMBER: 03495.0137-02000
TELECOMMUNICATION INFORMATION:
TELEPHONE: (202) 408-4000
TELEFAX: (202) 408-4000
INFORMATION FOR SEQ ID NO: 28:
SEQUENCE CHARACTERISTICS:
LENGTH: 2284 base pairs
TYPE: nucleic acid
STRANDEDNESS: double
TOPOLOGY: linear
MOLECULE TYPE: DNA (genomic)
US-08-466-248-28

Query Match 30.3% Score 496.2; DB 4; Length 2284;
Best Local Similarity 58.2%; Pred. No. 1.7e-116;
Matches 952; Conservative 0; Mismatches 673; Indels 12; Gaps 4;

Db 1 ATGGCAAAGAAATCAATTTACACAGATGCCGTGCTGCCATGTGCGCGAGTTGAT 60
506 ATGGCAAAGAAATCAATTTACAGATGGCGCAAGAACTTTATTATGAGCGCTAAGA 565
Qy 61 ATGTGACGATACCGTCAAGTAAGCGTTGCTTAAGGCGCAATGTTCTTGA 120
Db 566 CAATCATGAGCGGTCAAGTAAGTAAGCGCGCAAGGCGAGAGCGTGTGATCCA 625
Qy 121 AAGCTTTGTTGCTCCCTTAATTAAGTACAGGCGGTACCATTTGCTAAAGATCAA 180
Db 626 AAAAGCTATGCGGCTCCAAAGCATACCAAAAGAGCGCGGTAGCGTAAAGATGAA 685

Qy 181 TTGAAGATCAATTTGAAAAATGGAGCAAAATTTGGTGTCTGAAGTGGCTTTCAAACC 240
Db 686 TTAAAGTCCCGCGGCTGAACATGGCGGCTCACTGCTGTTAAAGAAAGATGCGAGCAACC 745
Qy 241 AATGATATGCTGGTATGGAGCACTACTGCAACAGTTTGGACACAGCATTTGTCAT 300
Db 746 GCTATGCGCGCGCGCGATGGCGACAGCAGCGCGTGTGCTTATGATTTTAA 805
Qy 301 GAGGACTAAATAATGACACAGAGTGTCAATCCAAATTTGGTATCCGTGAGGAGTGA 360
Db 806 GAGGCTTGAAGATATCAAGCGCTGGGGCTAACCCATTGAAGTGAAGAGAGCGTGTAT 865
Qy 361 ACAGCAAGCAAGCAAGCTGTGAAGCCTTGAAGCCATGCTCAACCTATCTGCAAG 420
Db 866 AAGCGCTGAAGGATCATTAATGAGCTTAAAAAGGACCAAAAATGGCGGCTAA 925
Qy 421 GAAGCTATGCTGCGTCCGTGCACTATCAACGCTC---TGAAAAATGGAGATAT 477
Db 926 GAAGAAATCAACCAATGACGACATTTCTGCAAACTCGATCAATATCGGAAATC 985
Qy 478 ATTCAGAGCTATGAGCGGTGGCGACAGATGTTGATTACATCGAAGATCTGA 537
Db 986 ATGCGAGCTATGAAAAAAGTGGTAAAGAGCGGTGATCACCGTTGAAGATGAT 1045
Qy 538 GTATGAAGACAGACTTGAAGTGTGAAGCATGCAATTTGACCGTGTACTGTCT 597
Db 1046 GCGATTTGAAGATGATATGATGCTGTAAGAGCATGCAATTTGATGAGCATCTCTCC 1105
Qy 598 CAATCATGCTCAGACAGCAATGAAAAAATGTTGCGAGACTTGAAGAACCATTAATCT 657
Db 1106 CCTTACTTTGAACCAACGCTGAGAAATGACCGCTCAATTTGATGATGATGATCT 1165
Qy 658 ATCAGGATTAATAAGTGTCAAAACATTCACACATTTGGCACTATGAGAACTTCT 717
Db 1166 TTAAAGGATTAATAATCTGATGATTAAGAAATCTCCGCTACTGAAATAACATG 1225
Qy 718 AAAACCAACCGCTCATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 777
Db 1226 AAGAGGCAACCGCTTTATATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1285
Qy 778 CTTCCTTGAACAGATGCTGATCTTCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 837
Db 1286 CTAGTGTGAATTAATTAAGAGCGGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1345
Qy 838 GGTGATCGCTGAAGCTATGCTTGAAGCATGCTATCTGACAGAGTGTGATGATG 897
Db 1346 GGGGACAGAGAAAAAATGCTCAAAAGCATGCTGTTTAAACGGCGTCAAGTCAAT 1405
Qy 898 ACAGAGATCTAGAGCTGATTAATTAAGATGCTACATGACAGCCCTGGAGAGCTGCT 957
Db 1406 ACGAAGATTTGGCTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1462
Qy 958 AAGATTAAGTATTAAGATGACAGATTAATTTGTAAGTTCAGAGATTCAGAGCT 1017
Db 1463 AAGATTTGATTAAGATGACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1522
Qy 1018 ATTCGTAACGATTTGCACTGATTAATTAAGCATTAAGAAACAACATCTGACTTGA 1077
Db 1523 GTCAAAAGAGAGTGTCCCAATCAAAACCAATTTGCAAGCAGCAAGGATTAAGAG 1582
Qy 1078 CGTGAAGAACTTACAAAGAGCTTTGGCAATTAAGTGTGATGATGATGATGATG 1137
Db 1583 AAGAAATAATGACAGAAAGATTTGGCAAACTCTGCGGTGTGCTGATTAAGATG 1642
Qy 1138 GAGGCTCAACAGAGAGCTTTTAAAGAAATGAACCTGCAATGAGATGCTGATTA 1197
Db 1643 GCGGCTCGAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAG 1702
Qy 1198 GCTACAGTTCAGCGCTTGAAGAGATGATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATG 1257
Db 1703 GCGACTAAACGCGGCTTGAAGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1762

QY 1258 GTTATTTGAAAAAGTACGAGCTCTTGAGCTTGAGGCGCATGATGCTACTGAGCAATC 1317
DB 1763 GCGGCCCCAAAAAGT---GCATTTGAAATTACAGATGATGAAAAAGTGGCATGCAATC 1819
QY 1318 GTGCTTCGTCTAGAGAGCGCTGATGCAAAATGCTTAAATGCTGGGAGCAAGGC 1377
DB 1820 ATCATCGCGCCATTAAAGCCCATTAAGCTTAATGCTATCATATCCGTTATATATGCG 1879
QY 1378 TCCGTAGTATTGACAAAGTGAAGAAAGCCCTGCGAGCAAGCATATTAATCTGCAACA 1437
DB 1880 GGTGTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1939
QY 1438 GGTGTGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1497
DB 1940 GCGAATGATGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1999
QY 1498 GCGCTTCAAAATGCAAGCTCTGCTAGCTAGCTTATTTGACACAGAGCAAGCTTGTCT 1557
DB 2000 GCTTTACAAATGCGGTTTCGTTCAAGCTCTGCTTAAACACAGAGCAAGCTTGTCT 2056
QY 1558 AATTAACCTGAACAGCTACGCCAGCGCCAGCAATGCGAGGATGATGATGATGATGATG 1617
DB 2057 CATGAATTCAAAG 2116
QY 1618 ATGGGTGGATGAGCGG 1634
DB 2117 ATGGAGGATGAGCGG 2133

RESULT 13
US-08-955-565A-3
Sequence 3. Application US/08955565A
Patent No. 6331388
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Mal'kovsky, Miroslav
TITLE OF INVENTION: Immune Response Enhancer Therapy
FILE REFERENCE: WAF-02625
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/08/955,565A
CURRENT FILING DATE: 1997-10-17
NUMBER OF SEQ ID NOS: 6
SOFTWARE: PatentIn version 3.0
SEQ ID NO 3
LENGTH: 4380
TYPE: DNA
ORGANISM: Mycobacterium tuberculosis
US-08-955-565A-3

Query Match 28.0%; Score 458.6; DB 4; Length 4380;
Best Local Similarity 55.8%; Pred. No. 3, le-125;
Matches 875; Conservative 0; Mismatches 694; Indels 0; Gaps 0;

QY 1 ATGCGAAAAGAAATCAAAATTTTCAGCAGATGGCGCTGCTGCTCAATGCTGCGGAGTGTAT 60
DB 252 ATGCGCAAAGACATTTCCGTAGCAGAGAAAGGCCCTCGCGCTCGAGAGGGGGCTGTGAC 311
QY 61 ATGTAGCAGATACGCTCAAGTAAAGCTTGTCTTAAGAGCGCAATGTGTCTTGA 120
DB 312 GCGCTGCGCATGCGGTAAAGTGAATTTGGGCCCCAAGGGCGCAAGCTGTCTGTGA 371
QY 121 AAGCTTTGGTCTCTCCCTTAATTAATGAGGGGTAACCATTTGCTTAAGAGATCGAA 180
DB 372 AAGAGTGGGGTCCCCCAGATCACCAAGATGTGTCTCTCCCAAGAGATGAG 431
QY 181 TTGAAAGATTTTGAAGATGAGAGAAATTTGTGTCTGAATGCTTCTTAAGAC 240
DB 432 CTGAGAGATCCGTACAGAGATGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 491
QY 241 AATGATATGCTGCTGATGAGAGATGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 300
DB 492 GATGACGTGCGCGGTAGCGAGACAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG 551
QY 301 GAAGAGCTAAAAAATGTGACAGAGGTCTCAATTCATTCATTCGCTGAGAGCATTTGA 360

DB 552 GAGGGCCCTGGCAGAGCTGGCGCGCGCCGACACCCGCTGAGCTCAAAAGCGCATCGAA 611
QY 361 ACAGCAGACAGCAACAGCTGTGAAGCTTTGAAGCCATTGCTCAACCTGTATGCGAAG 420
DB 612 AAGGCGCTGAG 671
QY 421 GAACTATGCTGAG 480
DB 672 GAGAGATGCGCGCCAG 731
QY 481 TCAGAGATGAG 540
DB 732 GCGAGCGAGTGAAG 791
QY 541 ATGAAACAGAACTTGAAG 600
DB 792 TTTGGGCTGAGCTGAG 851
QY 601 TACATGCTCAG 660
DB 852 TACTTGTGACAG 911
QY 661 ACGATATTAAG 720
DB 912 GTGAGCTCAG 971
QY 721 ACAGAGCTGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 780
DB 972 GCGGTAAGCGCTGCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1031
QY 781 GTCTTGAACAG 840
DB 1032 GTCTGTAACAG 1091
QY 841 GATGCTGTAAG 900
DB 1092 GACCGCGCAG 1151
QY 901 GAGAGCTGAG 960
DB 1152 GAAAGAGTGGGCTGAG 1211
QY 961 ATTAAG 1020
DB 1212 GTGCTGACAG 1271
QY 1021 GCTTACGATGAG 1080
DB 1272 GCGGAG 1331
QY 1081 GAAAG 1140
DB 1332 GAG 1391
QY 1141 GCTTCAAG 1200
DB 1392 GCGGAG 1451
QY 1201 ACAG 1260
DB 1452 GCGAG 1511
QY 1261 ATTGAAG 1320
DB 1512 GCGGAG 1571
QY 1321 CTTCGCTGAG 1380
DB 1572 AAGGTGAG 1631
QY 1381 GTAGTATTAAG 1440

```

Db 1632 GTGTGCGCCGAGAGGTGCGCAACCTGCGGCTGGCCACGAGTCAAGCTCAGACCGGT 1691
Oy 1441 GAGTGGTGTATATGATTTAAACAGAAATCATGTACCTGTCTCAAAAGTAACAGATCAGG 1500
Db 1692 GTCTACGAGATCTGTCTGCTGCGCGGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1751
Oy 1501 GTTCAAAATCAGCTTCTGTAGTACTTATTTTATTTGACACAGAAAGAGTGTGGTAAAT 1560
Db 1752 GTGCGAGATCGCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1811
Oy 1561 AAGCGTAA 1569
Db 1812 AAGCGGAA 1820

RESULT 14
US-09-103-840A-2
: Sequence 2, Application US/09103840A
: Patent No. 6294328
: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: FLEISCHMAN, Robert D.
: APPLICANT: WHITE, Owen R.
: APPLICANT: FRASER, Claire M.
: APPLICANT: VENER, John C.
: TITLE OF INVENTION: DNA SEQUENCES FOR STRAIN ANALYSIS IN MYCOBACTERIUM
: FILE REFERENCE: 24366-20007.00
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/103,840A
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 2
: SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
: SEQ ID NO. 2
: LENGTH: 4403765
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Mycobacterium tuberculosis
: FEATURES:
: OTHER INFORMATION: CDC 1551
: OTHER INFORMATION: "n" bases at various positions throughout the sequence
: OTHER INFORMATION: represent a, t, c or g
US-09-103-840A-2

Query Match 28.0%; Score 458.6; DB 4; Length 4403765;
Best Local Similarity 55.8%; Pred. No. 1,4e-123;
Matches 875; Conservative 0; Mismatches 694; Indels 0; Gaps 0;

Oy 1 ATGGCAAAAGAAATCAATTTTCACAGATGCGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 60
Db 530048 ATGGCCAAAGCAATTTGCTGCGAGCAAGAGGCGGCTGCGGCTGCTGCGAGGGGCTTGAC 530107
Oy 61 ATGTGAGCATACCGTCAAGTACGCTTGCTTAAAGGCGCCCAATGTTTCTTGA 120
Db 530108 GCCCTGCGGAGTGGGTAAGGTGACATGAGCCCAAGGGCGCAACGCTGCTCTGGA 530167
Oy 121 AAGCTTTTGTCTCTCTTAATTAATGACGCGGTACCACTTGTCTTAAAGATCGAA 180
Db 530168 AAGAGTGGGTGCGCCCAAGTACACAGATGAGTGTGCTCATCGCCAAAGAGATCGAG 530227
Oy 181 TTAGAAATCATTTTGAACATGGAGCAAAATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTTCTTAAAC 240
Db 530228 CTGAGAGATCGTACGAGAAATCGGCGCGAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530287
Oy 241 AATGATATTCGTGATGAGCAGTACTGCAACAGTTTGTGACACAAACCACTTGTTCAN 300
Db 530288 GATGACGCTGCGGCTGACGCGACACGACGCGACGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530347
Oy 301 GAGCACTAATAAATGTGACAGCAGTGTATTAATGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 360
Db 530348 GAGGCGCTGCGCAACGCTGCGCGCGCGCGCAACCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530407
Oy 361 ACAGCAACAGACAGCTGTGAGCCTTGAAGCCTTGAAGCCTTGAAGCCTTGAAGCCTTGA 420
Db 530408 AAGGCGCTGAGAGATGACCGAGACCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530467

```

```

Oy 421 GAAGCTATTGCTGAGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 480
Db 530468 GAGCACTATTGAGGCGCCACCGCAGCGATTTGCGGCGGTGACACGCTCATGCTGCTGCTGCT 530527
Oy 481 TCAGAGCTATTGAGGCTGTGCGCAAGATGTGTGATTTACATGCAAGATCTGAGAGT 540
Db 530528 GCGGAGCGATGAGCAAGAGGTGGCAAGAGCGGTGCTATCACCCTGCGAGGCTCAACACC 530587
Oy 541 ATGGAACAGAACTTGAAGTGTGTAAGGATGCAATTTGACCCGTGTACTGCTGCTCA 600
Db 530588 TTTGGGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530647
Oy 601 TACATGCTACAGACATGAAAAATGTTGCGAGACCTTGAAGAACCATTTATCTATAC 660
Db 530648 TACTCTGTACCGACCGCGGAGGTGAGAGCGGCTCTGTGAGACCCCTCATCTCTGCTG 530707
Oy 661 ACGGATAAAGAAAGTGTCAAAACATCCAGACATTTGCCACACTTGAAGAACTTTAA 720
Db 530708 GTGAGCTCAAGGTGTCTCATCTGCAAGATCTCTGCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530767
Oy 721 ACCAAGCTCATTAATCTTATTTGCAAGATGTGTGATGATGATGATGATGATGATGATG 780
Db 530768 GCGGTAAGCGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530827
Oy 781 GTCTGGAACAAGATGCTGTGATCTTCAATGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 840
Db 530828 GTGTGCAACAAGATCTGCGCGCACTTCAAGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530887
Oy 841 GATGCTGCTAAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 900
Db 530888 GACCGCCCAAGCGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 530947
Oy 901 GAGGATCTAGAGCTGTAATTAAGATGCTACATGACAGCCCTTGAGAGCTGTCTAG 960
Db 530948 GAAGAGTCTGCGCTGAGCGCTGAGAGCGCGACCTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 531007
Oy 961 ATTAAGCTGTAATTAAGATGACAGATGATTTGTAAGGTGCTGAGAGTTCAGAACTATT 1020
Db 531008 GTGTGTGCTACCAAGAGATGACCAATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 531067
Oy 1021 GCTAAGCTATTTCACCTGATTAATGCAATTTAGCAATTTAGCAACAACTTGTGAGCC 1080
Db 531068 GCGGAGCGAGTGGCCCAATCCCGCAGAGATGCGAGAAACGCACTCCGACTAGACCG 531127
Oy 1081 GAAAACTACAGAACGTTTGGCAAAATTTAGCTGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1140
Db 531128 GAGAACTGTGAGAGCGCTGCGCAAGCTGCGCGCGGTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 531187
Oy 1141 GCTCAACAGAGACAGCTTTTAAAGAAATGAACTGCAATGAGATGAGATGCTTAAATGCT 1200
Db 531188 GCGCGCACGAGGTGCACTCAAGAGCGCAAGCAACCGCATGAGAGATGCGATTCCAT 531247
Oy 1201 ACAGGTGACCGCTGGAAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1260
Db 531248 GCGAAGCGCTGCTGAGAGAGGCTATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 531307
Oy 1261 ATGGAAGATGAGAGCTTGTGAGCTTGAAGGCGCATGATGCTGAGCACTTATTTGTG 1320
Db 531308 GCGCCGACCTGAGAGAGCTGAGAGCTGAGAGCGACAGCGAGCGCGCAACATGCTG 531367
Oy 1321 CTGCTGCTGCTGAGAGAGCTGTAGCTCAAAATTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1380
Db 531368 AAGTGTGCTGCTGAGAGCGCTGAGAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 531427
Oy 1381 GTAGTATTGCAAGTGTGAAGAAAGCCCTGAGAAAGAGATTTAAATGCTGAGAGAGT 1440
Db 531428 GTGTGTGCGAGAGAGTGTGCGCAACCTGCGGCTGCGCGAGCTGCAACCTGCAACCG 531487
Oy 1441 GAGTGGTGTGATGATTTAAACAGAGATCATGACCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 1500
Db 531488 GTTACAGAGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 531547
Oy 1501 CTTCAAAATGCAAGCTTCTGTAGTACTTATTTTGAACAAGAGCACTTGTGCTAAT 1560

```

```
Db 531548 CTGCAAGATGGCGGCTCATCGCGGGCTGTCTCCAGACCGAGCGCGCTGCGGAC 531607
OY 1561 AAACCTGAA 1569
Db 531608 AAGCCGAA 531616

RESULT 15
US-09-103-840A-1
: Sequence 1. Application US/09103840A
: Patent No. 6294328
: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: FLEISCHMAN, Robert D.
: APPLICANT: WHITE, Owen R.
: APPLICANT: FRASER, Claire M.
: APPLICANT: VENTER, John C.
: TITLE OF INVENTION: DNA SEQUENCES FOR STRAIN ANALYSIS IN MYCOBACTERIUM
: FILE REFERENCE: 24366-20007.00
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/103,840A
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 2
: SOFTWARE: Patent Ver. 2.1
: SEQ ID NO 1
: LENGTH: 4411529
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Mycobacterium tuberculosis
: OTHER INFORMATION: H37Rv
US-09-103-840A-1

Query Match      28.0% Score 458.6; DB 4: Length 4411529;
Best Local Similarity 55.8%; Pred. No. 1,48-123;
Matches 875; Conservative 0; Mismatches 694; Indels 0; Gaps 0;

OY 1 ATGGCAAAAGAAATCAATTTTCAGCAGATGCGCGTGTGCTGATGTCGCGAGTTGAT 60
Db 528606 ATGGCCAAAGACATTCGTACAGAGAAAGGCGCGCTGCGGCTGCGAGGCGCTGAC 528665
OY 61 ATGTAGCAGATACCTGCAAGTAAACCTTGTCTTAAAGGCGCAATTTGTTCTTGA 120
Db 528666 GCCCTGCGGATGGGTAAGGTACATTTGGGCCCAAGGCGCAACCTGCTCTGAA 528725
OY 121 AAGCTTTGGTCTCCCTTAATTAATGACGGGTAAACCATTTCTTAAGAGATGAA 180
Db 528726 AAGAGTGGGTGCCCCCGACGATCCCAAGAGGTGTGTCTCAATCGCCAAAGATGAG 528785
OY 181 TTAGAGATCAATTTGAAACATGGAGCAAAATTTGTGTGATGATGCTTCTAAACG 240
Db 528786 CTGAGAGATCCGTACGAGAAATGCGGCGGAGCTGTCAAAAGGTGATCCCAAAAGAC 528845
OY 241 AATGATTTGCTGTATGAGGAGCATACGATCAAGATTTTGAACAAGCCCTTGTCA 300
Db 528846 GATGACGTGCGCGGTACGACCAACAGCGCCACCTGCTGCGCCAGCTGTGTCG 528905
OY 301 GAAGACATAAAAAATGTACAGAGGTGTAATCAATTTGATTCGTCGAGCATGAA 360
Db 528906 GAGGCTGCGCAAGCTGCGGCGGCGCAACCGCTGCTCAAAAGGCGGATGAA 528965
OY 361 ACAGCAACAGCAACAGCTGTGAAGCTTGAAGGCAATGCTCAACCTTATCTGCGAG 420
Db 528966 AAGGCGCTGGAAGGTACCGAGAACCTTCTCAAGGCGCGCAAGAGGTGAGAACCAAG 529025
OY 421 GAAGCTATGCTCAGTCTGCTGAGTATCATCATCCTCTGAAAAAGTTGAGAGATATC 480
Db 529026 GAGCAGATTGCGGCCACCGACGATTTGCGGCGGTGACGATCTCGTGACCTGATC 529085
OY 481 TCAGAACCTATGAGCGGTGAGCAAGATGATGATGATCAATCAAGATATCTCGAGGT 540
Db 529086 GCCGAGGATGAGCAAGGTGAGGAGGAGGAGGATCAACCTGACGAGATCCAAACCC 529145
OY 541 ATGGAACAGAACTTGAAGTGTGAAGGATGCAATTTGACCGCTTACTCTCTCA 600
```

```
Db 529146 TTTGGGCTGAGCTGAGCTACCGAGAGGTATGCGGTGACAAAGGCTATCTCGGG 529205
OY 601 TACATGCTCAGACATGAAAAATGTTTGCACACTTGAACCCCTTATCTTAATC 660
Db 529206 TACTTGTGACCGACCGAGGCTGCTGAGAGACCCCTCATCTCTGAG 529265
OY 661 ACGGATAAAAAGTCTCAAAACATCCAAACATTTTGCCACTACTTGAGAGTTCTTAA 720
Db 529266 GTCACTCCAGATGCTCCAGTCAAGATGCTGTCCTCTCTGAAAGGATCTCGA 529325
OY 721 ACCAAGCGTCTTACTCATTTATGCAAGATGATGATGATGAGCACTTCCACCTT 780
Db 529326 GCCGATAGCCCTGCTGATCATCGCGGAGACGTCGAGGCGGAGGCGTGTCCACCTG 529385
OY 781 GTCTTGAAACAGATTCGTGTAATTTCAATGTGTTGCTGCAAGCGCCGAGATTGCT 840
Db 529386 GTCTCAACAGATCCGCGGACCTTCAAGTGTGCGGTGCGTCAAGGCTCCGCTTGGC 529445
OY 841 GATCGTGTAAAGCTATGCTGAAGCAATGCTTCTTGACAGGTGATGATGATTA 900
Db 529446 GACCGCGCAAGCGATGCTGACAGATATGCGCATTCACCGGTGCTGAGTATCAGC 529505
OY 901 GAGGATCTAGGACTGATTAATAAGATGCTCAATGACAGCCCTGAGACGCTCTAAG 960
Db 529506 GAAGAGTGGCTGCTGACGCTGAGAACCCGACCTGTCTGCTAGGCAAGGCGCCAG 529565
OY 961 ATGACGTTGATTAAGATGACAGCAATTTGTAAAGTTTCAAGATGATGATCTT 1020
Db 529566 GTCTGTGTACCGCAAGAGACAGACCACTCTGAGAGGCGCGGAGACACGCGCATC 529625
OY 1021 GCTAACGCTATGCTGCTGATTAATGCAATTTGCAAAACAACCTTGTGACTTACCT 1080
Db 529626 GCCGAGAGATGCGCCGATGATCCCGCAAGATGCAAGAGGATCGCTGATCAACCGT 529685
OY 1081 GAATAACTCAAGAACGTTTGGCAATTTAGCTGTGTGTGTAGCTTATCAAGATAGA 1140
Db 529686 GAGAAAGTCAAGAGACGCTGCAAGCTGCGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 529745
OY 1141 GCTCAACAGAGACGCTTAAAGAAATGAACTTCCGATGAGAGTGTCTTAATGCT 1200
Db 529746 GCCCCACAGAGTGTGAATCAAGAGCGCAAGACCCGATGAGATGTGGTGTGCAAT 529805
OY 1201 ACAGTGCAGCGCTGAAGAGATTCGTGCTGTGTGTGTGAAGACATTAATGCTT 1260
Db 529806 GCCAAGGCGCGGTGAGAGAGGCAATCGTCCGCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT 529865
OY 1261 AFTGAAAGATGACGCTCTGAGCTGTGAGGCGATGATGCTACTGAGATGAATGTG 1320
Db 529866 GCCCGACCTGTGAGAGCTGAAAGCTCGAAGGCGAGAGGCGAGCGCCAAATGTG 529925
OY 1321 CTGTGTGCTCTGAAGAGCTGTGATCAATTTGCTTAAATGCTGTGATGAGAGCTCC 1380
Db 529926 AAGTGTGCTGTGAGCGCCCGCTGAAGATGCGCTTCACTCGGCTGAGAGCGGCG 529985
OY 1381 GTATATTGACAAAGTGAAGAAACAGCCCTGACAGAAACAGATTTAATGCTCAACAGT 1440
Db 529986 GTGTGTGCGGAGAGGTGTCACAACTGCGGCTGTGCGCAAGCATGAGACGTCAGCGGT 530045
OY 1441 GAGTGTGATGATGATTAAGCAAGATCTTGAACCTCTGAAGATGAGATGAGATGAG 1500
Db 530046 GTCTACGAGATGTGCTGCTGCGGCTGTGCTGACCGGCTCAAGATGAGACCGGCTG 530105
OY 1501 CTGAAATGACGCTCTGTGATGCTTATTTTGAACAAGATGATGATGATGATGAT 1560
Db 530106 CTGAGATGAGGCTGCTCATCGGCGGCTGTCTCTTACACCGAGCGGCTGTCTCCGAC 530165
OY 1561 AAACCTGAA 1569
Db 530166 AAGCCGAA 530174
```
